

DAFTAR PUSTAKA

Halaman Judul	ii
Halaman Pengesahan	iii
Halaman Pernyataan	iv
Kata Pengantar	v
Daftar Pustaka	vii
Daftar Tabel	ix
Daftar Gambar	x
Daftar Lampiran	xii
Intisari	xiii
Abstract	xiv
 BAB I PENDAHULUAN	 1
1.1. Latar Belakang	1
1.2. Rumusan Masalah	2
1.3. Tujuan Penelitian	2
1.4. Manfaat Penelitian	2
 Bab II TINJAUAN PUSTAKA	 4
2.1. Protein	4
2.2. Asam Amino	5
2.3. Interaksi Asam Amino	9
2.4. Interaksi pada Struktur Protein	11
2.4.1. Ikatan Hidrogen	11
2.4.2. Interaksi Hidrofobik	12
2.4.3. Interaksi Ionik	12
2.4.4. Interaksi van der Waals	12
2.5. Struktur Protein	12
2.5.1. Struktur Primer	12
2.5.2. Struktur Sekunder	13
2.5.3. Struktur Tersier	16
2.5.4. Struktur Kuartener	17
2.6. Enzim	18
2.7. Protease Netral	19

2.8. Endopeptidase	20
2.9. Metallopeptidase Klan A	20
2.10. Thermolysin	20
2.11. Phosphoramidon	21
2.12. Hipotesis	23
BAB III METODOLOGI PENELITIAN	24
3.1. Tempat dan Waktu Penelitian	24
3.2. Alat Penelitian	24
3.2.1. Perangkat Keras	24
3.2.1. Perangkat Lunak	24
3.1. Bahan Penelitian	25
3.2. Metode Penelitian	25
3.4.1. <i>Homology Modelling</i>	25
3.4.2. <i>Molecular Docking</i>	27
3.3. Tahapan Penelitian	28
BAB IV HASIL DAN PEMBAHASAN	29
4.1. Translasi sekuens ORF NPr	29
4.2. Pemilihan domain pada NPr	29
4.3. Pemodelan Homologi dengan Modeller	32
4.4. <i>Molecular Docking</i> dengan Phosphoramidon	38
4.4.1. Residu pada sisi aktif NPr	38
4.4.2. Interaksi model NPr dengan inhibitor phosphoramidon	39
4.4.3. Ikatan hidrogen antara NPr dan phosphoramidon	39
4.4.4. Interaksi Hidrofobik	41
4.5. Penghambatan dengan Phosphoramidon	41
BAB V KESIMPULAN DAN SARAN	42
5.1. Kesimpulan	42
5.2. Saran	42
DAFTAR PUSTAKA	43
LAMPIRAN	48