

INTISARI

Bemisia tabaci adalah serangga hama yang berlaku sebagai vektor Begomovirus. Insidensi penyakit Begomovirus yang diakibatkan *B. tabaci* di lapangan dapat mencapai 100%. *B. tabaci* merupakan kompleks spesies yang terdiri dari beberapa haplotype. Pengambilan sampel dalam penelitian ini dilakukan di Kabupaten Magelang dan Kabupaten Bantul yang merupakan wilayah endemik penyakit akibat Begomovirus. Hasil amplifikasi Begomovirus dari DNA total *B. tabaci* menggunakan pasangan primer Krusty-Homer menghasilkan ampikon dengan panjang ~580bp menunjukkan bahwa semua sampel *B. tabaci* telah mengandung Begomovirus. Hasil amplifikasi gen mtCO1 *B. tabaci* dengan menggunakan pasangan primer universal LepF1/LepR1 menghasilkan ampikon dengan panjang ~660bp. Hasil sekuens nukleotida menunjukkan sampel *B. tabaci* pada penelitian ini memiliki homologi 73-100% dengan *B. tabaci* dari India dan Pakistan yang merupakan haplotype Asia 1.

Kata kunci : *Bemisia tabaci*, Begomovirus, mtCO1, haplotype, Asia 1

ABSTRACT

Bemisia tabaci is an agricultural pest and role as vector for Begomovirus. Incidence of plant disease caused by Begomovirus and *B. tabaci* reach up to 100%. *B. tabaci* is a species complex which is consist by several haplotypes. Samples of *B. tabaci* were collected from Magelang Regency and Bantul Regency which are endemic area of Begomovirus-caused plant disease. Begomovirus screening using a pair of Krusty-Homer amplified ~580bp of DNA fragment which is shows all *B. tabaci* samples have contained Begomovirus. The results of mtCO1 gene amplification of *B. tabaci* by using a universal primer pair LepF1 / LepR1 produces amplicon with a length of ~ 660bp, the nucleotide sequence results showed samples of *B. tabaci* in this study had a 73-100% homology with *B. tabaci* from India and Pakistan which are grouped as Asia 1 haplotype.

Keywords : *Bemisia tabaci*. Begomovirus, mtCO1, haplotype, Asia 1\